



Prvé krůčky molekulární epidemiologie SARS-CoV-2 v České republice

Molekulární epidemiologie založená na celogenomových sekvencích od 12 virů SARS-CoV-2 zachycených v NRL pro chřipku a nechřipková virová onemocnění SZU.

[Prvé krůčky molekulární epidemiologie SARS-CoV-2 v České republice v březnu 2020 \(613,30 KB\)](#)