

## Zpráva NRL pro chřipku a NRL pro nechřipkové respirační viry 12.3. 2012

### **Souhrn:**

Zvýšený výskyt chřipky v ČR pokračuje, incidence ARI stoupla celorepublikově o 7,4%, nejvíce pak v kraji Pardubickém a Moravskoslezském, některé kraje ale evidovaly i pokles (kraje Ústecký, Olomoucký a Zlínský), kraj Středočeský a Královéhradecký hlásí setrvalý trend. ILI, ačkoliv celorepublikový vzestup je o 34,7%, rovněž nestoupily všude, v některých krajích došlo k poklesu (Středočeský, Královéhradecký, Olomoucký), Naopak největší vzestup (o 166,7%) eviduje Pardubický kraj. Tento nerovnoměrný vývoj do značné míry koresponduje i s poněkud netypickým vývojem celé letošní epidemické sezóny v Evropě.

Tři evropské země jsou již ve fázi klesající nemoci (Španělsko, Itálie, Bulharsko), v dalších 11 nemocnost stoupá. Celkem bylo v rámci TESSy vyšetřeno 1606 výtěrů a 48% je chřipky pozitivní, což je první zaznamenaný pokles, otázkou však je, zda příští týden tento trend potvrdí.

ČR je stále ve fázi lokálních až regionálních epidemií. Dominujícím kmenem je subtyp A/H3N2, typ B ale stále cirkuluje paralelně s chřipkou A.

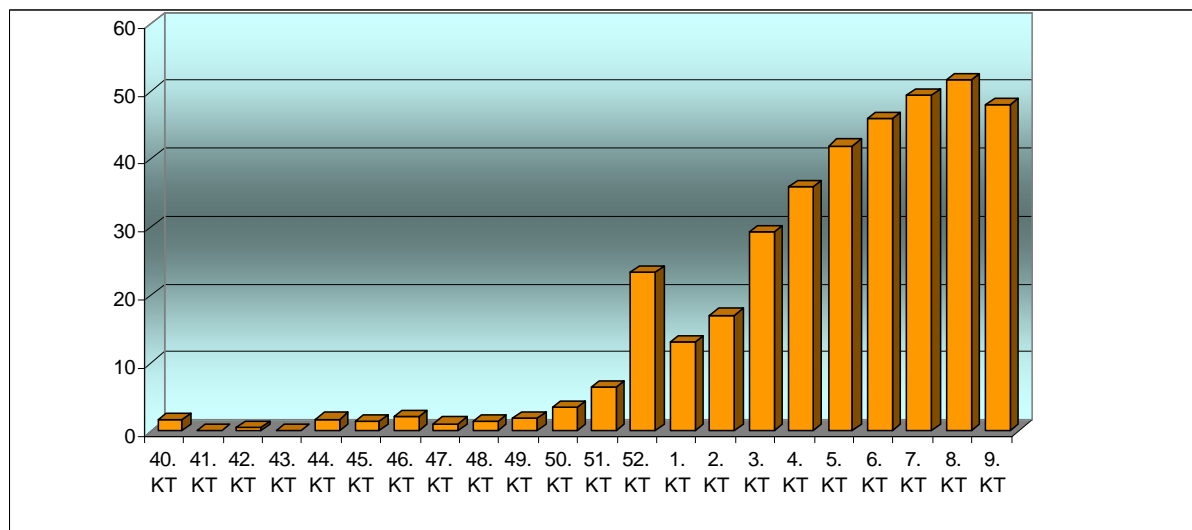
### **A distinct lineage of influenza A virus from bats.**

*(Proc Natl Acad Sci U S A. 2012 Feb 27)*

Byla uveřejněna zajímavá zpráva o detekci nového chřipkového viru typu A, který byl objeven v Guatemale u netopýrů *Sturnira lilium* (Listonos žlutoramenný). V letech 2009 a 2010 bylo vyšetřeno 316 netopýrů různých druhů celkem z 8 lokalit v Guatemale. U 3 zvířat byl v rektálním výtěru objeven chřipkový virus A se zcela odlišným hemaglutininem a neuraminidázou. Virus byl u těchto zvířat zachycen i v dalších tělních tkáních, nikoliv však v respiračním sekretu, což naznačuje, že se pravděpodobně nejednalo o dlouhodobé nosičství, ale o formu onemocnění. Tyto viry nejsou schopny se replikovat ani v kuřecích embryích, ani v tkáňových kulturách. Hemaglutinin byl označen jako H17. Pro detekci viru byla použita speciální PCR (pan-influenza RT-PCR) zaměřená na určité sekvence z oblasti PB1, který patří k nekonzervativnějším proteinům napříč RNA viry.

Tento nálezný jasně ukazuje, že jak spektrum vnímavých živočichů, tak i překračování druhových bariér může být u chřipky mnohem širší, respektive častější, než-li jsme doposud soudili a navíc je zřejmé, že zdaleka neznáme všechny subtypy, které se mohou v široké živočišné říši vyskytovat.

Záchytnost virů chřipky A a B (v procentech) v sentinelových vzorcích nahlášených do TESSy od 40. KT 2011 (zdroj dat: týdenní hlášení WISO)



MUDr Martina Havlíčková  
NRL pro chřipku